

C12

General Description References Links Sequence

General information

Entry name Q9PVY1
Accession number Q9PVY1 XP-002197933
Created TrEMBLrel. 13, 1-MAY-2000
Sequence update TrEMBLrel. 13, 1-MAY-2000
Annotation update TrEMBLrel. 21, 1-JUN-2002

P.D. 01-05-2000

P. 1-2

2

Description and origin of the Protein

Description XFGF-20.
Gene name(s) XFGF-20.
Organism source Xenopus laevis (African clawed frog).
Taxonomy Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi; Amphibia; Batrachia; Anura; Mesobatrachia; Pipoidae; Pipidae; Xenopodinae; Xenopus.
NCBI TaxID 8355

References

- [1] Koga, C., Adati, N., Nakata, K., Mikoshiba, K., Furuhata, Y., Sato, S., Tei, H., Sakaki, Y., Kurokawa, T., Shiokawa, K., Yokoyama, K. K., Characterization of a novel member of the FGF family, XFGF-20, in *Xenopus laevis*. (1999) *Biochem. Biophys. Res. Commun.* 261:756-765

Position SEQUENCE FROM N.A.

Medline 99373151

PubMed 10441498

Database cross-references

EMBL AB012615; BAA83474.1; .
HSSP P31371; 1G82.
InterPro IPR002209; HB/F_growthfact.
IPR002348; IL1_HBGF.
Pfam PF00167; FGF; 1.
PRINTS PR00262; IL1HBGF.
ProDom PD000831; HB/F_growthfact; 1.
SMART SM00442; FGF; 1.
PROSITE PS00247; HBGF_FGF; 1.

Sequence information

Length: 208 aa, molecular weight: 23438 Da, CRC64 checksum: 268881D36E757D4D

MAPLADVGT	LG	GYDALGQV	GS	HLLFP	PAK	DS	PLFNDPL	AQ	SERLS	RS	SA	PS	DL	SH	LQGI	60
LRRRLYCR	T	GF	HLQIL	PDG	NV	QGT	RQDHS	RF	GILEFISV	AI	GLVSIRGV	DT	GLY	LG	MND	120
KGELFGSE	KL	TSEC	IFRQF	EEN	WYNTYSS	NLY	KHGD	SGR	RY	FVAL	NKDG	TP	RDG	TR	AKR	180
HQKFT	HL	PLR	PVD	PEK	VEL	YK	DL	MGYS								208

//

>>SWALL:Q9FVY1 XPGF-20. (208 aa)
 in1tn: 1061 initl: 976 opt: 1169 Z-score: 1387.1 bits: 263.7 E(): 3.4e-69
 Smith-Waterman score: 1169; 80.569% identity (81.731% ungapped) in 211 aa overlap
 (1-211:1-208)

```

      10      20      30      40      50      60
SA3535 MAPLAEVGGFLGGLGEGQQVGVSHFLPPAGERPPLLGERRSAAERSARGGPGAAQLAHL
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SWALL: MAPLADVGTFLGQYDALGQ-VGSHFLPPAKDSPLLFNDPLAQSERLSRSAP--SDLSHL
      10      20      30      40      50

      70      80      90      100     110     120
SA3535 HGILRRRQLYCRTGFHLQILPDGSGVQTRQDHLFGILEFISVAVGLVSIRGVDSGLYLG
      . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SWALL: QGILRRRQLYCRTGFHLQILPDGNVQSTRQDHSRFGILEFISVAIGLVSIRGVDTGLYLG
      60      70      80      90      100     110

      130     140     150     160     170     180
SA3535 MNDKGELYGSEKLTSECIFREQFEENWYNTYSSNIYKHGDTGRRYFVALNKDGTPRDGAR
      . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SWALL: MNDKGELFGSEKLTSECIFREQFEENWYNTYSSNLYKHGDSGRRYFVALNKDGTPRDGTR
      120     130     140     150     160     170

      190     200     210
SA3535 SKRHQKFTHFLPRFPVDPERVPELYKDLMY
      . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SWALL: AKRHQKFTHFLPRFPVDPEKVPELYKDLMGYS
      180     190     200

```